

باستخدام الكمبيوتر تحدد مناطق التداخل بين القطع المنفصلة.	
تجزئة شرطي DNA وبشكل عشوائي قطع صغيرة.	
ترتيب هذه القطع للوصول إلى التتابع النهائي.	
عند استكمال المشروع تمكن العلماء من إحصاء أقل من 30 ألف جين تكون الجينوم البشري.	
نسخ هذه القطع وتحديد تتابع القواعد النيتروجينية لكل منها.	

1 2 3 4 5 6